



ワークショップ「染色体研究の最前線」

1/16-17, 2017 生命機能研究科 生命システム棟 2F セミナー室

1/16 (月曜)

13:00- はじめに 深川竜郎 (大阪大学・生命機能研究科)

13:03-13:23 深川竜郎 (大阪大学・生命機能研究科)

「動原体集合の分子機構」

13:23-13:43 舛本寛 (かずさ DNA 研究所)

「セントロメア反復 DNA への CENP-A とヘテロクロマチンの集合機構」

13:43-14:03 広田亨 (がん研究所・実験病理部)

「染色体不安定性の病理機構の解析」

14:03-14:23 胡桃坂仁志 (早稲田大学・理工学術院)

「染色体の構造基盤」

14:23- 14:40 コーヒーブレイク

14:40-15:00 小布施力史 (北海道大学・先端生命科学研究院)

「HP1 結合因子によるクロマチン制御」

15:00-15:20 中山潤一 (基礎生物学研究所)

「ヘテロクロマチン構造形成の分子機構」

15:20-15:40 村上洋太 (北海道大学・理学研究院化学部門)

「転写装置によるエピゲノム制御」

15:40 -16:00 津中康央 (京都大学・生命科学研究科)

「FACT を介したクロマチンリモデリング機構の構造基盤」

16:00-16:20 コーヒーブレイク

16:20-16:40 角谷徹仁 (東京大学大学院・理学系研究科・国立遺伝学研究所)

「シロイヌナズナにおける配列特異的抗抑制の早い進化」

16:40-17:00 平岡泰 (大阪大学・生命機能研究科)

「ヒストン不足が引き起こす染色体の不分離」

17:00-17:20 木村宏 (東京工業大学・科学技術創成研究院)

「生細胞内クロマチンダイナミクス」

1/17 (火曜)

9:20-9:40 平谷伊智朗 (理化学研究所多細胞システム形成研究センター)

「マウス ES 細胞分化に伴う核内ゲノム高次構造変化の Hi-C 解析」

9:40-10:00 加納純子 (大阪大学・蛋白質研究所)

「サブテロメアの機能解明」

10:00-10:20 眞貝洋一 (理化学研究所)

「Genome-wide genetic screen for provirus silencing factors in embryonic stem cells with a lentiviral CRISPR-guide RNA library」

10:20-10:40 中西真 (東京大学医科学研究所)

「Fbxo22 によるオートファジー制御と老化」

10:40-11:00 コーヒーブレイク

11:00-11:20 石井俊輔 (理化学研究所)

「精子を介したエピゲノム情報の伝達」

11:20-11:40 西田栄介 (京都大学・生命科学研究所)

「ホルミシス効果とその次世代への継承」

11:40-12:00 石川冬木 (京都大学・生命科学研究所)

「ヒストンシャペロン HIRA 因子による獲得耐性」

昼食

13:00- フリー討論

出発